

Lunes, 18 de Marzo de 2013

Buscar:



Portada En 10 minutos Opinión/Editorial Política Primaria Especializada Suplementos y Especiales Farmacia e Industria Hemeroteca Ediciones

Compartir

Recomendar 0

Twitter 1

0

|

Herramientas

Valorar [0]

Imprimir Enviar

ESPECIALIZADA / Oncología/ El reto de integrar toda la información sobre mutaciones, en el Simposio "Cáncer genético y familiar en la era de la genómica"

Mejoran la estimación del riesgo en Lynch

Imágenes



1 / 1 El Instituto Catalán de Oncología (ICO) y

CECILIA OSSORIO / BARCELONA

viernes, 15 de marzo de 2013 / 15:00

Un proyecto del ICO resuelve dudas en 8 de cada 10 mutaciones en este síndrome

La combinación de datos permite dilucidar qué alteraciones son patogénicas

La estimación real del riesgo es el reto principal en personas con predisposición hereditaria a desarrollar cáncer, debido a que existe una "avalancha" de información genética y cada vez se detectan más mutaciones con funciones desconocidas (en un 20 por ciento de los casos).

Es precisamente el objetivo del Instituto Catalán de Oncología (ICO) y el de Medicina Predictiva y Personalizada del Cáncer (Imppc), como se plasmó en el Simposio "El cáncer hereditario y familiar en la era de la genómica personalizada", celebrado en Barcelona. Según comenta Gabriel Capellà, responsable del Programa de Cáncer Hereditario del ICO, para desentrañar esos casos en los que no saben qué significa una mutación, se deben combinar datos técnicos, datos del tumor, predicciones con herramientas bioinformáticas y experimentos tanto a nivel de RNA como de proteína.

En el caso del Síndrome de Lynch, en el ICO están realizando este proceso con dos de los genes implicados en la enfermedad, LMH1 y MSH2. Capellà detalla que, tanto en un gen como en otro, han reclasificado ocho de cada diez mutaciones que han estudiado porque desconocían si eran benignas o malignas. "Hemos disminuido mucho todos estos casos en los cuales no somos capaces de decir con certeza si la mutación es la responsable de la enfermedad o no. Estamos mejorando la estimación del riesgo para estos pacientes", celebra, recordando que en 2010 la Asociación Española contra el Cáncer (AECC) les concedió una beca de 1,2 millones de euros para varios programas de estimación personalizada del riesgo.

Por su parte, Conchi Lázaro, también del ICO, está realizando el mismo procedimiento con los genes que son responsables de la predisposición hereditaria al cáncer de mama y ovario, los BRCA.

Lo + leído hoy

1. La tiroglobulina alta no es sinónimo de tumor
2. Realizan la primera hepatectomía derecha asistida por vía robótica en España
3. "Iremos a los tribunales si se aprueba el registro"
4. El injerto de tejido adiposo en mama amplía las posibilidades del implante
5. Echániz llevará al TS los autos que ratifican los "riesgos" de cerrar las urgencias nocturnas
6. ¿Cree que son los colegios quienes deben gestionar el registro de profesionales?
7. Mejoran la estimación del riesgo en Lynch
8. Los pacientes con obesidad grave que se operan viven 15 años más
9. España invierte menos en la reducción de las listas de espera que la media de la OCDE
10. Los médicos se oponen a los incentivos individuales

Publicidad

GACETA MÉDICA
en tu iPhone

NetSalud Cada viernes desde las 18:00 h.
Tu quiosco digital de salud

Suplementos y Especiales

Farmacia Hospitalaria
La cultura de seguridad se instala en los hospitales

**Farr
HOS**

Responsabilidad Social Corporativa
La crisis no frena las políticas de RSC de las compañías

RSC

Premios Best In Class (BiC)
Especiales publicados sobre los Premios Best In Class (biC)

Premios Be

Contenidos de Salud

Gaceta Médica en Twitter

Como puntualiza Capellà, en el caso del cáncer de mama, estos genes los encuentran tan sólo en un 20 por ciento de las personas en las que se sospechan. Una cifra que mejora en cáncer de colon, donde aumenta hasta el 50 por ciento. La realidad es, por tanto, que "hay una alta proporción de sospecha de agregación familiar sin identificar", añade.

En el ámbito de las enfermedades raras, desde el ICO también trabajan en neurofibromatosis, que predispone a desarrollar neurofibromas. De éstos, unos se malignizan y otros no por motivos que hoy investigan.

En cuanto al tratamiento del "cáncer hereditario", empiezan a descubrir que, dependiendo de la alteración que tengan los tumores, se les puede hacer más o menos sensibles a determinados tratamientos. Así, en cáncer de mama los tumores con mutaciones en BRCA parecen vulnerables a los inhibidores de PARP, sobre los que, no obstante, existen dudas y se están realizando nuevos estudios.

Comentarios de esta Noticia

No hay comentarios. Sea el primero en comentar esta noticia

Para poder comentar una noticia es necesario estar registrado.
Regístrese o acceda con su cuenta.



Join the conversation



GacetaMedicaCom Las técnicas de imagen cardíaca son esenciales en el diagnóstico cardiovascular ow.ly/2vtv2r
3 days ago · reply · retweet · favorite

2 new tweets



GacetaMedicaCom Conservar la actual cohesión colegial, es el reto de la nueva legislatura de Rodríguez Sendín [@jrsendin ow.ly/iUOj5](https://ow.ly/iUOj5)
3 days ago · reply · retweet · favorite



[Quiénes Somos](#) - [Aviso Legal](#) - [Publicidad](#) - [Contacto](#)

GacetaMedica.com © 2011 Contenidos e Información de Salud S.L. --

[RSS](#)